



Исследовательский  
Центр

ООО «Фрактал Био»  
190020, Россия,  
г. Санкт-Петербург, ул. Бумажная, 17  
тел.: +7 (812)495-96-95  
e-mail: fbiogenetika@mail.ru  
http://vetlaba.ru

## Генетический тест на НСМ Мейн-кунов (гипертрофическая кардиомиопатия Мейн-кунов)

Орлова Наталья Алексеевна			Номер исследования: 13122021-Orl2
<b>Питомник</b> Alliance	<b>Дата рождения</b> 09.07.2020	<b>Родословная</b>	Дата выдачи результата: 17.12.2021
<b>Порода</b> Мейн-кун	<b>Кличка</b> Alliance Hercule, ns 22 03	<b>Пол</b> ♂	

### Результат

N/N

#### Расшифровка результатов:

**N/N**– Гомозигота по аллели нормального типа (обе копии гена *MYBPC3* не содержат мутации A31P).

**N/НСМmс**– Гетерозигота по аллели мутантного типа (одна из копий гена *MYBPC3* содержит мутацию A31P).

**НСМmс/НСМmс**– Гомозигота по аллели мутантного типа (обе копии гена *MYBPC3* содержат мутацию A31P).

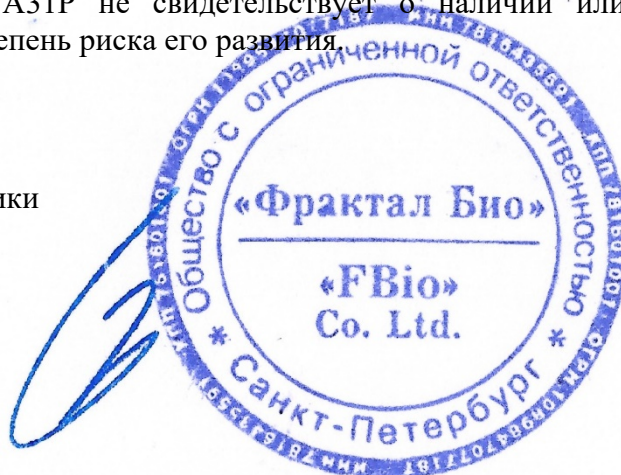
Данный тест позволяет выявить только мутацию A31P, ассоциированную с НСМ Мейн-кунов или их межпородных гибридов, как описано Meurs *et al.*, 2005.

Наличие или отсутствие мутации A31P не свидетельствует о наличии или отсутствии заболевания, а лишь характеризует степень риска его развития.

Зав. лабораторией

Лаборатории молекулярной диагностики

Е.С. Багманова



## Maine coon HCM (hypertrophic cardiomyopathy) test

Natalya Orlova			Test number: 13122021-Orl2
<b>Cattery</b> Alliance	<b>DOB</b> 09.07.2020	<b>Pedigree</b>	Report date: 17.12.2021
<b>Breed</b> Maine Coon	<b>Cat</b> Alliance Hercule, ns 22 03	<b>Sex</b> ♂	

### Result

N/N

#### Result Codes:

**N/N** – Cat is homozygous for a normal type (i.e. carry two normal copies of the *MYBPC3* gene).

**N/HCMmc** – Cat is heterozygous for the mutant allele (one copy of the *MYBPC3* gene carry the A31P mutation).

**HCMmc/HCMmc** – Cat is homozygous for the A31P mutation (two copies of the *MYBPC3* gene carry the A31P mutation).

This test only detects the A31P mutation associated with HCM in Maine Coon cats and outcrosses as described by Meurs *et al.*, 2005.

The presence or absence of the mutation A31P is not indicate the presence or absence of the disease, but only describes the risk of its development.

Chief of molecular  
diagnostics laboratory  
Bagmanova S. Elena

